Christopher PHILET

* TP A : rentrer des données issues d'un format papier

Boutons de fièvre

#2.1

bout <- as.data.frame(de(""))

#2.2

attach(bout)

mean(trt1)

mean(trt2)

mean(trt3)

mean(trt4)

mean(trt5)

#2.3

colMeans(bout)

#2.4

write.table(file="boutons.txt",bout,row.names=F)

#2.5

#2.6

ls()

rm(bout)

ls()

#2.7

bout1 <- read.table("boutons.txt",header=T,sep="")

* Facteurs de risque de l'athérosclérose

#2.1

X <- scan()

X <- matrix(X,ncol=3,nrow=6,byrow=F)

#2.2

class(X) <- "ftable"

#2.3

attributes(X)$col.vars<-list(alcool=c("ne boit pas","boit occasionnellement","boit régulièrement"))

attributes(X)$row.vars<-list(SEXE=c("H","F"),tabac=c("ne fume pas","a arrêté de fumer","fume"))

#2.4

X

#2.5

write.ftable(X,file="athero.txt")

#2.6

#2.7

rm(X)

#2.8

Y <- read.ftable(file="athero.txt")

* TP B : Importer depuis un logiciel externe

#2.1

# vous devez tout d'abord enregistrer le fichier .xls en fichier .txt avec

# des tabulations pour les séparateurs.

imc.XLS <- read.table("imcenfant.txt",header=T,sep="\t",dec=",")

#2.2

#charger le package foreign

#Attention pour cette fonction, vous devez d'abord enregister le fichier .xpt.

imc.SAS <- read.xport("imcenfant.xpt")

#2.3

imc.SPSS <- read.spss("http://www.biostatisticien.eu/springeR/imcenfant.sav")

#2.4

#imc.MPT <- read.mtp("http://www.biostatisticien.eu/springeR/imcenfant.mtp")

#2.5

#installer le package R.matlab

x <- readMat("imcenfant.mat")

class(x) # x est une liste

x # on voit que les données sont dans $imc[,,1]

x <- x$imc[,,1]

# Notez que les éléments de SEXE et zep sont enregistrés dans une liste

x$SEXE

class(x$SEXE) <- "character"

x$SEXE

class(x$zep) <- "character"

imc.MAT <- as.data.frame(x)

#2.6

summary(imc.SAS)

summary(imc.XLS)

summary(imc.MAT)

summary(imc.SPSS)

#2.7

write.table(imc.SPSS,"imcenfant.txt",row.names=F)

* TP C : Importer des fichiers de données plus compliqués

#2.1

X <- scan("raf98.gra",skip=3)

X <- matrix(X,ncol=421,nrow=381,byrow=TRUE)

#2.2

#Enregistrer le fichier Infarct.xls en fichier Infarct.txt (tabulation comme sépqrqteur)

infarct <- read.table("Infarct.txt",header=T,sep="\t",na.strings = ".",dec=",")

#2.3

X <- read.table("nutriage.txt",row.names=1)

X<-t((X))

X<-as.data.frame(X)

#2.4

X<-read.table("http://www.biostatisticien.eu/springeR/Poids\_naissance.txt",row.names=1,skip=1,

header=F,sep=";",nrows=189,blank.lines.skip = TRUE)

Y<-read.table("http://www.biostatisticien.eu/springeR/Poids\_naissance.txt",nrows=1,row.names=1)

colnames(X)<-as.matrix(Y)